|  |
| --- |
| **Современные проблемы биоинформатики** |

|  |  |
| --- | --- |
|  | **Биоинформатика** - учение о закономерностях информационных процессов, происходящих в биологических системах, а также об информационном обеспечении биологических исследований (создание программных средств поддержки биологических исследований и пр.). |

|  |
| --- |
| **Разделы выставки:** |
| [**Биоинформационные технологии и исследования**](http://www.prometeus.nsc.ru/archives/exhibit2/bioinf.ssi#m1) |
| [**Информационная поддержка анализа геномов**](http://www.prometeus.nsc.ru/archives/exhibit2/bioinf.ssi#m2) |
| [**Биоинформационный подход в медицине**](http://www.prometeus.nsc.ru/archives/exhibit2/bioinf.ssi#m3) |
| *Подготовила:* [Ирина Лакизо](http://www.prometeus.nsc.ru/staff/lakizo.ssi)   На 11.12.2014 -- **272** записи |

**жирным шрифтом** указаны шифры ГПНТБ СО РАН с пометками о [местонахождении изданий](http://www.prometeus.nsc.ru/about/location.ssi)

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
|

|  |  |
| --- | --- |
|   | БИОИНФОРМАЦИОННЫЕ ТЕХНОЛОГИИ И ИССЛЕДОВАНИЯ |

 1. Алгоритмы оптимизации интеллектуального труда методами визуализации информации с помощью когнитивной семантической графики / И.В.Степанян, Э.И.Денисов, А.Л.Еремин, В.И.Бодякин, А.В.Савельев // Нейрокомпьютеры: разработка, применение. - 2014. - N 7. - С.53-59.

**Ч/з8**1. Арчаков А.И. Биоинформатика, геномика и протеомика - науки о жизни XXI столетия / А.И.Арчаков // Вопросы медицинской химии. - 2000. - Т.46, N 1. - С.4-7.

**НО**1. Афонников Д.А. Биоинформатика: метод во главе угла / Д.А.Афонников, В.А.Иванисенко // Наука из первых рук. - 2013. - Т.49, N 1. - С.50-59.

**НО**1. Белок теплового шока альфа-кристаллинового типа из микоплазмы(acholeplasma laidlawii) / С.Н.Борхсениус, И.Е.Вишняков, Е.В.Буданцева, М.С.Венский и др. // Цитология. - 2008. - Т.50, N 7. - С.613-619.

**НО**1. Биоинформатика и молекулярное моделирование: I международная интернет-конференция, Казань, 25-26 сентября 2012 года: сбор. трудов / [редактор Н.И.Акберова]. - Казань: Казанский ун-т, 2012. - 77 с.

**Г2013-7663**1. Биоинформатика. Биоинформационные и биоэнергоинформационные технологии: [докл. 4-го Междунар. конгр.]. Т.1. Ч.1. - Барнаул, 2001. - 110 с.

**Г2001-12780/N1-1**1. Биоинформатика. Биоинформационные и биоэнергоинформационные технологии: [докл. 4-го Междунар. конгр.]. Т.1. Ч.2. - Барнаул, 2001. - 116 с.

**Г2001-12780/N1-2**1. Биоинформатика. Биоинформационные и биоэнергоинформационные технологии: [докл. 4-го Междунар. конгр.]. Т.1. Ч.3. - Барнаул, 2001. - 103 с.

**Г2001-12780/N1-3**1. [Биоинформатический анализ структурных взаимосвязей в удаленных гомологах суперсемейства альфа-бета гидролаз](http://www.science-education.ru/106-7529) / И.В.Шаповалова, Н.В.Панин, В.А.Тахавеев, Н.М.Мисюра, Д.А.Суплатов // Современные проблемы науки и образования. - 2012. - N 6. - С.715.
2. Биоинформационное предсказание новых микро-РНК растений томата и их подтверждение методом ПЦР с обратной транскрипцией / Луань Фу-Лэй, Хань Ю-Шэн, Чжу Хун-Лян, Шао И и др. // Физиология растений. - 2010. - Т.57, N 4. - С.503-514.

**Ч/з8**1. Биоинформационные и энергоинформационные технологии: "БЭИТ-2002": [докл. 5-го Междунар. конгр.] / [Науч. ред. П.И.Госьков]. - Барнаул: АлтГТУ, [б. г.].

**Г2002-12486**1. Биоинформационные и энергоинформационные технологии в производственной, в социальной и в духовной сферах: международный науч. конгр. (8; 2005; Москва / Барнаул): доклады. - Барнаул: Изд-во АлГТУ, 2005.

**Г2005-325**1. Биоинформационные и энергоинформационные технологии в целительстве, в духовной, в социальной и в производственной сферах: международный науч. конгр. (9; 2006; Барнаул / Екатеринбург): доклады. - Барнаул: АлтГТУ; Екатеринбург, 2006.

**Г2006-4789**1. Биоинформационные и энергоинформационные технологии развития человека: "БЭИТ-2008 ": докл. XI междунар. науч. конгр., посвящ. 70-летию со дня рождения Госькова П.И. / [под ред. Д.Н.Жданова]. - Барнаул: Uran4, 2008.

**Г2009-5909**1. Биоинформационный ресурс человека: резервы образования = Bioinformational human resource: reserves of education: материалы 1 междунар. науч.-образоват. конф. - СПб.: Астерион, 2005.

**Г2006-1057**1. Биофизика полей и излучений и биоинформатика. Ч.1: Физико-биологические основы информационных процессов в живом веществе. - Тула, 1998. - 333 с.: ил.

**Г2000-38/N1**1. Братусь А.С. Динамические системы и модели биологии / А.С.Братусь, А.С.Новожилов, А.П.Платонов. - Москва, 2009.

**Е/Б874** 021. Булгаков В.П. Биоинформационный анализ белковых сетей: поиск статистик и топологий, наиболее адекватно отвечающих запросам экспериментальных биологов (мини-обзор) / В.П.Булгаков, Г.Ш.Цициашвили // Биохимия. - 2013. - Т.78, N 10. - С.1405-1411.

**НО**1. Введение в информационную биологию и биоинформатику: учебное пособие: [в 5 т.]. Т.2, Гл.2: Компьютерная протеомика / под ред. Н.А.Колчанова [и др.]; Новосиб. гос. ун-т, Сиб. отд-ние Рос. акад. наук, Ин-т цитологии и генетики. - Новосибирск: НГУ, 2012. - 251 с.: ил.

**Д2013-2160/N2-2**1. Введение в информационную биологию и биоинформатику: учебное пособие: в 5 т. Т.4. Гл.5: Математическое моделирование и методы биоинформатики в биологии развития. Гл.6: Компьютерная эволюционная биология. - Новосибирск: НГУ, 2012. - 335 с.: ил.

**Д2013-2160/N4**1. Волохина И.В. Исследование накопления олигонуклеотидов животными клетками, опосредованное белком VirE2 / И.В.Волохина, Ю.С.Гусев, М.И.Чумаков // Нанотехнологии и охрана здоровья. - 2013. - Т.5, N 1 (14). - С.32-40.

**Ч/з8**1. Гельфанд М.С. Апология биоинформатики / М.С.Гельфанд // Биофизика. - 2005. - Т.50, N 4. - С.752-766.

**НО**1. Гельфанд М.С. Биоинформатика: от эксперимента к компьютерному анализу и снова к эксперименту / М.С.Гельфанд, В.А.Любецкий // Вестник Российской академии наук. - 2003. - Т.73, N 11. - С.987.

**НО**1. Глазко В.И. Русско-англо-украинский толковый словарь по прикладной генетике, ДНК-технологии и биоинформатике = Russian-english-ukrainian dictionary with definitions on applied genetics, DNA-technology and bioinformatics: словарь / В.И.Глазко, Г.В.Глазко. - Киев: КВИЦ, 2001. - 579 с

**Е2003-199**1. Глазко В.И. Толковый словарь терминов по общей и молекулярной биологии, общей и прикладной генетике, селекции, ДНК-технологии и биоинформатике: в 2 т. Т.1: А-О / В.И.Глазко, Г.В.Глазко. - М.: Академкнига; М.: Медкнига, 2008. - 670 с.

**Е2008-14/N1**1. Глазко В.И. Толковый словарь терминов по общей и молекулярной биологии, общей и прикладной генетике, селекции, ДНК-технологии и биоинформатике: в 2 т. Т.2: П-Я / В.И.Глазко, Г.В.Глазко. - М.: Академкнига; М.: Медкнига, 2008. - 529 с.

**Е2008-14/N2**1. Горшкова Т.А. Клеточная стенка растений - камень преткновения для молекулярных биологов / Т.А.Горшкова, Н.Николовски, Д.Н.Финаев // Физиология растений. - 2005. - Т.52, N 3. - С.443-462.

**кх4**1. Зиновьев А.Ю. Метод упругих карт для визуализации данных: алгоритмы, программное обеспечение и приложения в биоинформатике: Автореф. дис. на соиск. учен. степ. канд. техн. наук: 05.13.11 / А.Ю.Зиновьев; Ин-т вычисл. моделирования СО РАН. - Красноярск, 2001. - 26 с.: ил.

**А2001-15686**1. Зусмановский А.Г. Биоинформация и эволюция: Правы и Ламарк и Дарвин / А.Г.Зусмановский. - Ульяновск, 2003. - 235 с.: ил.

**Е2003-1361**1. Иваницкий Г.Р. Тепловидение в медицине / Г.Р.Иваницкий // Вестник Российской академии наук. - 2006. - Т.76, N 1. - С.48-58.

**НО**1. Ивахно С. Количественная протеомика и ее применение в системной биологии (обзор) / С.Ивахно, А.Корнелюк // Биохимия. - 2006. - Т.71, N 10. - С.1312-1327.

**НО**1. Игнасимуту С. Основы биоинформатики / С.Игнасимуту. - М.; Ижевск: Ин-т компьютер. исслед.: Регуляр. и хаотич. динамика, 2007. - 316 с. - (Серия "Биоинформатика и молекулярная биология").

**Г2008-41**1. Информационные сети, системы и технологии: материалы семинара ИССТ-97. Ч.2: Биоинформатика и информационные биотехнологии. - М.; Ярославль, 1997. - 52 с.

**Г97-9992/N2**1. Клиент-серверная база данных EROP-Moscow о природных олигопептидах с интернет-доступом / А.А.Замятнин, А.С.Борчиков, М.Г.Владимиров, О.Л.Воронина // Нейрохимия. - 2005. - Т.22, N 1. - С.12-27.

**НО**1. Ключникова М.А. Роль летучих стероидов (на примере андростенона) в регуляции агрессивного поведения у домовой мыши: автореф. дис. на соиск. учен. степ. канд. биол. наук: 03.00.28: 03.00.13 / М.А.Ключникова; [Ин-т проблем передачи информ. им. А.А.Харкевича РАН]. - М., 2009. - 25 с.

**А2009-11248** кх21. [Колчанов Н.А. Ляпунов А.А.: Становление биоинформатики и биокибернетики](http://conf.nsc.ru/files/conferences/Lyap-100/presentation/84165/89276/%D0%9A%D0%BE%D0%BB%D1%87%D0%B0%D0%BD%D0%BE%D0%B2_%D0%9F%D1%80%D0%B5%D0%B7%D0%B5%D0%BD%D1%82.pdf) / Н.А.Колчанов // Современные проблемы математики, информатики и биоинформатики [Электронный ресурс]: международ. конф., посвящ. 100-летию со дня рождения А.А.Ляпунова, 11-14 окт. 2011 г., Академгородок, Новосибирск. - Новосибирск, 2011.
2. Лахно В.Д. Математическая биология и биоинформатика / В.Д.Лахно // Вестник Российской академии наук. - 2011. - Т.81, N 9. - С.812-818.

**НО**1. Леск А. Введение в биоинформатику / А.Леск; пер. с англ. под ред. А.А.Миронова, В.К.Швядоса. - 2-е изд. - М.: Бином. Лаборатория знаний, 2013. - 318 с.

**Д2013-1689**1. Ломоносов: материалы XIV международной конференции студентов, аспирантов и молодых ученых "Ломоносов", 11-14 апр. 2007: [междунар. молодеж. науч. форум "Ломоносов-2007"]. - М.: Мысль, 2007. - 591 с.

**Г2007-4506/N1**1. [Маршалл Т.Г. "Наука безопасности" — оправданно ли ожидать от медицины превращения в научно-обоснованную из ее нынешнего состояния доказательной? = "The science of safety" — is it realistic to expect medicine to change to a science-base from its evidence-base?](http://elibrary.ru/item.asp?id=20308752) / T.G.Marshall // Вестник Санкт-Петербургского университета. Серия 11: Медицина. - 2013. - N 3. - С.234-243.
2. Математическая биология и биоинформатика: доклады I междунар. конф., 9-15 окт. 2006 г., Пущино / под ред. В.Д.Лахно. - М.: МАКС Пресс, 2006. - 219 с.

**Е2006-1566**1. Математическая биология и биоинформатика: доклады II междунар. конф., Пущино, 7-13 сент. 2008 г. / под ред. В.Д.Лахно. - М.: МАКС Пресс, 2008. - 253 с.

**Е2008-1445**1. Математическая биология и биоинформатика: доклады III международной конференции, Пущино, 10-15 окт. 2010 г. / под ред. В.Д.Лахно. - М.: МАКС Пресс, 2010. - 285 с.

**Е2010-2059**1. Математическая биология и биоинформатика: доклады IV международной конференции, Пущино, 14-19 окт. 2012 г. / под ред. В.Д.Лахно. - М.: МАКС Пресс, 2012. - 210 с.

**Е2012-2046**1. "Математические модели и информ. технологии в с.-х. биологии: итоги и перспективы", всероссийская конф. (с международным участием) (2010; Санкт-Петербург). - СПБ, 2010.

**Г2010-21103**1. Моделирование и управление в биоинформационных технологиях сельского хозяйства: сб. науч. тр. / Моск. гос. агроинженер. ун-т им. В.П.Горячкина; [Науч. ред. В.Т.Сергованцев]. - М., 1997. - 111 с.

**Г98-1355**1. Надмолекулярные комплексы белка вирулентности VirE2 Agrobacterium tumefaciens / И.В.Волохина, Ю.С.Гусев, С.И.Мазилов, М.И.Чумаков // Биохимия. - 2011. - Т.76, N 11. - С.1576-1582.

**НО**1. [Несговорова Г.П. Биоинформатика: пути развития и перспективы](http://www.iis.nsk.su/files/articles/sbor_kas_21_nesgovorova_bio.pdf) / Г.П. Несговорова // Информатика в науке и образовании: сбор. ст. / под ред. В.Н.Касьянова. - Новосбириск, 2012. - С.71-89.
2. Нефедов Е.И. Современная биоинформатика / Е.И.Нефедов, Т.И.Субботина, А.А.Яшин. - М.: Горячая линия-Телеком, 2005. - 272 с.

**Г2005-1392**1. Новиков Г.В. Исследование конформационной динамики лиганд-активируемых мембранных рецепторов методом анализа главных компонент / Г.В.Новиков, В.С.Сивожелезов, К.В.Шайтан // Биохимия. - 2013. - Т.78, N 4. - С.522-532.

**НО**1. Новиков Г.В. Исследование конформационной подвижности родопсин-подобных рецепторов методом молекулярной динамики и структурной биоинформатики: автореферат диссертации на соискание ученой степени кандидата биологических наук: 03.01.02 / Г.В.Новиков; [Ин-т биофизики клетки РАН]; 13-5648а. - Пущино, 2013. - 25 с.

**А2013-5648**1. Оноприенко Ю.И. Эволюция кораллов Rugosa северо-западной части Тихоокеанского региона в раннем карбоне (биоинформационный аспект): автореферат диссертации на соискание ученой степени д-ра биол. наук: 03.00.08, 04.00.09 / Ю.И. Оноприенко; Рос. акад. наук, Дальневост. отд-ние. - Владивосток, 1992. - 44 с.

**А92-3889**1. Павлов А.Н. Биоинформационная экология / А.Н.Павлов, Ю.М.Ермолаев. - М.: ИРИАС, 2011. - 143 с. - (Электромагнитная экология).

**Г2011-7947**1. Порозов Ю.Б. Биоинформатика и средства компьютерного анализа и визуализации макромолекул / Ю.Б.Порозов // Саратовский научно-медицинский журнал. - 2010. - Т.6, N 2. - С.273-276.

**Ч/з8**1. [Проект краткого паспорта научной специальности 03.01.09 - "Математическая биология, биоинформатика" (Физико-математические, биологические, медицинские науки)](http://elibrary.ru/item.asp?id=13068082) // Врач и информационные технологии. - 2010. - N 1. - С.74-75.
2. Рудаков К.В. Анализ информативности мотивов на основе критерия разрешимости в задаче распознавания вторичной структуры белка / К.В.Рудаков, И.Ю.Торшин // Информатика и ее применения. - 2012. - Т.6, N 1. - С.79-90.

**Ч/з8**1. Рудаков К.В. Вопросы разрешимости задачи распознавания вторичной структуры белка / К.В.Рудаков, И.Ю.Торшин // Информатика и ее применения. - 2010. - Т.4, N 2. - С.25-35.

**Ч/з8**1. Рудик А.В. Компьютерный прогноз биотрансформации ксенобиотиков: автореф. дис. на соиск. учен. степ. канд. биол. наук: 03.00.28 / А.В.Рудик; [НИИ биомед. химии им. В.Н.Ореховича РАН]. - М., 2007. - 20 с.

**А2007-15342** кх21. Системная биология и биоинженерия: материалы Международной школы-конференции молодых ученых "Системная биология и биоинженерия", Москва, 28 нояб.-2 дек. 2005 г. - [б. м.], 2005. - 251 с.

**Г2006-1032**1. Системная биология и биоинформатика: программа и тезисы Международной школы молодых ученых "Системная биология и биоинформатика", Новосибирск, Россия, июнь 23-26, 2013. - Новосибирск: Институт цитологии и генетики СО РАН, 2013. - 51 с. - Загл. обл.: 5th International young scientists school "Systems Biology and Bioinformatics".

**Д2013-1812**1. Системный анализ, управление и обработка информации в биологии и медицине. Ч.9: Биоинформатика в изучении физиологических функций жителей Югры / [под ред. В.М.Еськова, А.А.Хадарцева]; Рос. акад. наук, Науч. совет по проблемам биол. физики. - Самара: Офорт, 2011. - 173 с.

**Г2001-4795/N9**1. [Сравнительный анализ альфа-фукозидаз с применением методов биоинформатики](http://elibrary.ru/item.asp?id=21297433) / С.В.Кирьянова, А.Самченко, М.С.Кондратьев, Д.А.Черенков, О.С.Корнеева // Актуальная биотехнология. - 2012. - N 2 (1). - С.29-32.
2. Структурная биоинформатика в постгеномную эру / К.А.Одынец, С.С.Ивахно, Д.Б.Ковальский, Б.Т.Токовенко, А.И.Корнелюк // Biopolymers and cell. - 2004. - Т.20, N 1-2. - С.78-91.

**кх4**1. Суплатов Д.А. Выявление аминокислотных остатков, определяющих специфичность ферментов семейств альфа-бета гидролаз и пенициллин-связывающих белков, методами биоинформатического анализа: автореферат диссертации на соискание ученой степени кандидата химических наук: 03.01.04 / Д.А.Суплатов; [Науч.-исслед. ин-т физ.-хим. биологии им.А.Н.Белозерского МГУ им. М.В.Ломоносова]; 11-7506а. - Москва, 2011. - 22 с.

**А2011-7506**1. Тараненко А.М. Применение депо-подхода из биоинформатики для проблемы предотвращения перехода стадии адаптации при стрессе в стадию дизадаптации / А.М.Тараненко // Естественные и технические науки. - 2010. - N 3. - С.123-126.

**НО**1. Технология семантической интеграции баз данных в системной биологии / Д.С.Мигинский, В.В.Лабужский, М.М.Лаврентьев-мл., А.В.Морозов, С.А.Соколов // Вычислительные технологии. - 2008. - Т.13, N 6. - С.102-120.

**НО**1. [Участие белков, содержащих WD40-like домены, в ответе растений на фитогормоны и стресс](http://elibrary.ru/item.asp?id=11635214) / А.В.Демиденко, Н.В.Кудрякова, Г.Н.Черепнева, Р.Оэльмюллер и др. // Известия высших учебных заведений. Северо-Кавказский регион. Сер., Естественные науки. - 2008.- N 4. - С.75-79.
2. [Федонин Г.Г. Моделирование первичной специфичности протеаз семейства MMP методами машинного обучения](http://www.jip.ru/2012/229-247-2012.pdf) / Г.Г.Федонин, М.Д.Казанов // Информационные процессы. - 2012. - Т.12. N 3. - С.229-247.
3. Хаубольд Б. Введение в вычислительную биологию: эволюционный подход / Б.Хаубольд, Т.Вие; пер. с англ. С.В.Чудова; под ред. И.И.Артамоновой. - М.: Регулярная и хаотическая динамика; Ижевск: Ижевский ин-т компьютерных исследований, 2011. - 455 с.: ил. - (Биоинформатика и молекулярная биология).

**Г2011-16812**1. Хачатрян В. Биоинформационные возможности микроорганизмов: потенциал клеточных механизмов управления процессами обновления человеческого организма на биоинформационном уровне / В.Хачатрян. - М.; СПб: ДИЛЯ, 2013. - 249 с.

**Г2012-24196**1. Хотова Ф.А. Компьютерная обработка реальных сигналов спектральными методами и методами биоинформатики: автореферат диссертации на соискание ученой степени кандидата технических наук: 05.13.18 / Ф.А.Хотова; [Смол. гос. ун-т]; 12-15591а. - Казань, 2012. - 16 с.

**А2012-15591**1. Чайлахян Л.М. Что является предметом науки «биоинформатика»? / Л.М.Чайлахян // Биофизика. - 2005. - Т.50, N 1. - С.152-155.

**НО**1. Яшин А.А. Феноменология ноосферы [Текст]: заключительные главы - прогностика: монография / А.А.Яшин; предисл. В.Г.Зилова; Мед. ин-т Тульского гос. ун-та, ООО "Науч.-исслед. центр "Матрикс". - Москва [и др.]: Триада, 2012. - 329 с. - (Приложение к журналу "Вестник новых медицинских технологий"). - (Серия монографий "Макро- и микроскопическая биофизика и биоинформатика" / под общ. ред. А.А.Яшина; Вып.3).

**Г2012-9435**1. Bioinformatics: high performance parallel computer architectures / ed. by B.Schmidt. - Boca Raton; London; New York: CRC/Taylor & Francis, 2011. - XIV,356 p. - (Embedded multi-core systems).

*Перевод заглавия: Биоинформатика.***Библиотека сети 03**1. Bioinformatics and computational biology solutions using R and bioconductor / ed.: R.Gentleman, V.J.Carey. - New York: Springer Science+Business Media, 2005. - XIX,473 p. - (Statistics for biology and health).

*Перевод заглавия: Решения биоинформатики и компьютерной биологии с применением R и биоиндикатора.***R2014-304**1. Bioinformatics for high throughput sequencing / eds.: N.Rodriguez-Ezpeleta [et al.]. - Dordrecht; Heidelberg: Springer, 2012. - XI,255 p.

*Перевод заглавия: Биоинформатика по высокой пропускной последовательности.***R2014-112**1. Biouniwa - система генерации web-сервисов и конвейеров для унифицированного доступа к ресурсам в области биоинформатики / Е.Г.Комышев, М.А.Генаев, К.В.Гунбин, Д.А.Афонников // Вавиловский журнал генетики и селекции. - 2013. - Т.17, N 4-1. - С.607-614.

**НО**1. Electromagnetic bio-information: Proc. of the symp., Marburg, Sept. 5, 1977 / Ed. by F.A.Popp et al. - Munchen: Urban & Schwarzenberg, 1979. - VII,207 p.

*Перевод заглавия: Электромагнитная биоинформация.***R81-21**1. Fastrflp: сетевая программа для подбора условий проведения анализа однонуклеотидных полиморфизмов методом полиморфизма длины рестриктазных фрагментов / К.А.Благодатских, А.Г.Никитин, Е.Г.Благодатских, В.Р.В.Носиков // Биотехнология. - 2011. - N 1. - С.60.

**НО**1. German-Russian network of computational systems biology / eds.: R.Hofestadt, N.Kolchanov. - Aachen: Shaker, 2010. - 60 p. - (Berichte aus der Medizinischen Informatik und Bioinformatik). - Загл. обл.: Computational systems biology.

*Перевод заглавия: Немецко-русская сеть вычислительных систем в биологии.***Библиотека сети 07, 03**1. Ovcharenko L.P. Metagenomic analysis for microbial ecology and biotechnology / L.P.Ovcharenko, N.O.Kozyrovska // Biopolymers and cell. - 2008. - Т.24, N 3. - С.199-211.

**кх4**1. Parida L. Pattern discovery in bioinformatics: theory & algorithms / L. Parida. - Boca Raton; London; New York: Chapman & Hall/CRC, 2008. - 526 p. - (Chapman & Hall mathematical and computational biology series).

*Перевод заглавия: Образцы открытия в биоинформатике.***Библиотека сети 056**1. Schulze-Kremer S. Molecular bioinformatics: algorithms and applications / S.Schulze-Kremer. - Berlin; New York: de Gruyter, 1996. - XV,300 p.

*Перевод заглавия: Молекулярная биоинформатика: алгоритмы и применение.***Библиотека сети 021**1. Science, engineering, and biology informatics. - New Jersey; London; Singapore: World sci., 20-.

*Перевод заглавия: Наука, технология и биологическая информатика.*1. Scientific applications of neural nets: Proc. of the 194th W.E. Heraeus held at Bad Honnef, Germany, 11-13 May, 1998 / Ed. by J.W.Clark et al. - Berlin: Springer, 1999. - XIII,288 p. - (Lecture notes in physics; Vol.522).

*Перевод заглавия: Научные приложения нейронных сетей.***Библиотека сети 050**1. Series on advances in bioinformatics and computational biology. - London: Imperial College Press, 20-.

*Перевод заглавия: Достижения в биоинформатике и вычислительной биологии.*1. Simon M. Emergent computation: emphasizing bioinformatics / M.Simon. - New York: Springer; New York: AIP press, 2005. - XIV,423 p. - (Biological and medical physics, biomedical engineering).

*Перевод заглавия: Возникновение вычислений в биоинформатике.***Библиотека сети 021**1. Structural bioinformatics / ed.: J.Gu, P.E.Bourne. - 2nd ed. - Hoboken: Wiley-Blackwell, 2009. - XXVI,1035 p.

*Перевод заглавия: Структурная биоинформатика.***Библиотека сети 06**

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
|   | ИНФОРМАЦИОННАЯ ПОДДЕРЖКА АНАЛИЗА ГЕНОМОВ | [Разделы выставки](http://www.prometeus.nsc.ru/archives/exhibit2/bioinf.ssi#top) |

 1. [Xарактеристика генома русского мужчины на основе анализа однонуклеотидных полиморфизмов и реконструкции последовательностей ДНК](http://hghltd.yandex.net/yandbtm?fmode=inject&url=http%3A%2F%2Fwww.russiangenome.ru%2Fsites%2Fdefault%2Ffiles%2Farticle_sep10_ru.pdf&tld=ru&lang=ru&la=&text=X%D0%B0%D1%80%D0%B0%D0%BA%D1%82%D0%B5%D1%80%D0%B8%D1%81%D1%82%D0%B8%D0%BA%D0%B0%20%D0%B3%D0%B5%D0%BD%D0%BE%D0%BC%D0%B0%20%D1%80%D1%83%D1%81%D1%81%D0%BA%D0%BE%D0%B3%D0%BE%20%D0%BC%D1%83%D0%B6%D1%87%D0%B8%D0%BD%D1%8B%20%D0%BD%D0%B0%20%D0%BE%D1%81%D0%BD%D0%BE%D0%B2%D0%B5%20%D0%B0%D0%BD%D0%B0%D0%BB%D0%B8%D0%B7%D0%B0%20%D0%BE%D0%B4%D0%BD%D0%BE%D0%BD%D1%83%D0%BA%D0%BB%D0%B5%D0%BE%D1%82%D0%B8%D0%B4%D0%BD%D1%8B%D1%85%20%D0%BF%D0%BE%D0%BB%D0%B8%D0%BC%D0%BE%D1%80%D1%84%D0%B8%D0%B7%D0%BC%D0%BE%D0%B2%20%D0%B8%20%D1%80%D0%B5%D0%BA%D0%BE%D0%BD%D1%81%D1%82%D1%80%D1%83%D0%BA%D1%86%D0%B8%D0%B8%20%D0%BF%D0%BE%D1%81%D0%BB%D0%B5%D0%B4%D0%BE%D0%B2%D0%B0%D1%82%D0%B5%D0%BB%D1%8C%D0%BD%D0%BE%D1%81%D1%82%D0%B5%D0%B9%20%D0%B4%D0%BD%D0%BA&l10n=ru&mime=pdf&noconv=1&sign=795b4e8fc1aee5e013866731ebf22eee&keyno=0) / Н.Н.Чеканов, Е.С.Булыгина, А.В.Белецкий, Е.Б.Прохорчук, К.Г.Скрябин // Acta Naturae (русскоязычная версия). - 2010. - Т.2, N 3. - С.140-145.
2. Аксенович Т.И. Оценка мощности in silico-картирования / Т.И.Аксенович, А.С.Зыкович // Генетика. - 2006. - Т.42, N 6. - С.850-857.

**НО**1. [Алгоритм и результаты счета для модели регуляции экспрессии генов у бактерий на основе формирования вторичных структур РНК](http://www.jip.ru/2005/337-366.pdf) / В.А.Любецкий, К.Ю.Горбунов, С.А.Пирогов, Л.И.Рубанов, А.В.Селиверстов // Информационные процессы. - 2005. - Т.5, N 5. - С.337-366.
2. [Алгоритм поиска мощных вторичных структур в нуклеотидной последовательности и его применение для сравнительного подсчета числа таких шпилек в разных областях генома](http://www.jip.ru/2006/258-263-2006.pdf) / Е.В.Любецкая, Л.И.Рубанов, А.В.Селиверстов, В.А.Любецкий // Информационные процессы. - 2006. - Т.6, N 3. - С.258-263.
3. [Андрианов Г.А. Выбор функции плотности вероятности распределения экспрессии генов при обработке данных в методе RNA-seq](http://www.jip.ru/2013/118-123-2013.pdf) / Г.А.Андрианов, О.С.Кременецкая // Информационные процессы. - 2013. - Т.13, N 2. - С.118-123.
4. Апонин Ю.М. Принцип инвариантности Ла-Салля и математические модели эволюции микробных популяций / Ю.М.Апонин, Е.А.Апонина // Компьютерные исследования и моделирование. - 2011. - Т.3, N 2. - С.177-189.
5. Артемов Г.Н. Молекулярно-генетический анализ районов прикрепления хромосом к оболочке ядра трофоцитов яичников малярийных комаров Аnophelesкомплекса maculipennis / Г.Н.Артемов, В.Н.Стегний // Вестник Томского государственного университета. Сер., Биология. - 2010. - N 2. - С.123-131.

**Ч/з8**1. Бабич О.О. Проектирование L-фенилаланин-аммиак-лиазы штамма-продуцента на основе клеток Escherichia Coli / О.О.Бабич, А.Ю.Просеков // Theoretical & Applied Science. - 2013. - N 6 (2). - С.65-69.
2. Библиотека для поиска сайтов связывания с транскрипционными факторами / Е.С.Черемушкин, Н.А.Горохов, С.В.Парыгин, Ф.Стейгмайер // Программные продукты и системы. - 2011. - N 4. - С.110-113.

**НО**1. Биоинформатика и трансгенез: создание организмов с новыми свойствами / А.В.Кочетов, Н.А.Омельянчук, Е.В.Игнатьева, В.А.Лихошвай, Ю.Г.Матушкин // Экологическая генетика. - 2003. - Т.I, N S. - С.67-74.
2. Биоинформатика регуляции и структуры генома. Системная биология = The seventh international conference on bioinformatics of genome regulation and structurebiology: тр. седьмой междунар. конф. (на англ. яз.), Новосибирск, 20-27 июня 2010 г. - Новосибирск: ИЦиГ СО РАН, 2010. - 333 с.

**Е2010-1133**1. Биоинформатика регуляции и структуры генома / Системная биология, международная конф. (8; 2012; Новосибирск): тезисы VIII Международной конференции "Биоинформатика регуляции и структуры генома / Системная биология", Новосибирск, Россия, 25 - 29 июня 2012 г. - Новосибирск: ИЦИГ, 2012. - 366 с.

**Д2012-1999**1. Биоинформатика регуляции и структуры генома, международная конф. (5; 2006; Новосибирск): труды пятой международной конференции "Биоинформатика регуляции и структуры генома", 16-22 июля 2006, Новосибирск. Т.2. - Новосибирск: ИЦИГ, 2006. - 234 с.

**Д2006-1039/N2**1. Биоинформатика регуляции и структуры генома, международная конф. (5; 2006; Новосибирск): труды пятой международной конференции "Биоинформатика регуляции и структуры генома", 16-22 июля 2006, Новосибирск. Т.3. - Новосибирск: ИЦИГ, 2006. - 326 с.

**Д2006-1039/N3**1. Биоинформатика регуляции и структуры генома, международная конф. (5; 2006; Новосибирск): труды пятой международной конференции "Биоинформатика регуляции и структуры генома", 16-22 июля 2006, Новосибирск. Т.1. - Новосибирск: ИЦИГ, 2006. - 339 с.

**Д2006-1039/N1**1. Брацун Д.А. Моделирование пространственно-временной динамики циркадианных ритмов neurospora crassa / Д.А.Брацун, А.П.Захаров // Компьютерные исследования и моделирование. - 2011. - Т.3, N 2. - С.191-213.
2. Бушуев А.Ю. Анализ регулярной организации текстовой структуры кодирующих и некодирующих районов ДНК генома человека / А.Ю.Бушуев, В.А.Кутыркин, М.Б.Чалей // Актуальные проблемы науки: ИГУМО и ИТ как исследовательский центр. - 2013. - Т.2, N -1. - С.46-60.
3. [Витрещак А.Г. Компьютерное предсказание регуляторных сайтов МРНК. Анализ регуляции экспрессии генов биосинтеза аминокислот и генов, кодирующих ТРНК-синтетазы в грамм-положительных бактериях](http://www.jip.ru/2002/VITR.pdf) / А.Г.Витрещак // Информационные процессы. - 2002. - Т.2, N 1. - С.91-95.
4. Волегов А.И. О проблеме неэффективности антибактериальной терапии в клинике туберкулеза / А.И.Волегов // Паллиативная медицина и реабилитация. - 2009. - N 1. - С.44-50.

**кх4**1. [Вьюгин В.В. О некоторых способах отбора горизонтально перенесенных генов на основе филогенетических данных](http://www.jip.ru/2002/ly.pdf) / В.В.Вьюгин, В.А.Любецкий // Информационные процессы. - 2002. - Т.2, N 1. - С.120-140.
2. [Вьюгин В.В. Об одном алгоритме поиска горизонтального переноса гена на основе филогенетических деревьев белков](http://www.jip.ru/2001/VYUG-2.pdf) / В.В.Вьюгин, В.А.Любецкий // Информационные процессы. - 2001. - Т.1, N 2. - С.167-177.
3. [Гельфанд М.С. Об одном способе построения деревьев эволюции видов по множественным генетическим данным](http://www.jip.ru/2001/GELF-1.pdf) / М.С.Гельфанд, В.В.Вьюгин, В.А.Любецкий // Информационные процессы. - 2001. - Т.1, N 1. - С.64-77.
4. [Гельфанд М.С. Регуляция экспрессии генов и электронные модели живой клетки](http://www.jip.ru/2005/33-39-2005.pdf) / М.С.Гельфанд // Информационные процессы. - 2005. - Т.5, N 1. - С.33-39.
5. Генетическая вариабельность и генотипирование вируса клещевого энцефалита с помощью дезоксиолигонуклеотидных зондов / Т.В.Демина, Ю.П.Джиоев, М.М.Верхозина, И.В.Козлова, С.Е.Ткачев, Е.К.Дорощенко, О.В.Лисак, В.И.Злобин // Вопросы вирусологии. - 2009. - Т.54, N 3. - С.33-41.

**кх4**1. Генетические механизмы морфологической эволюции / K.В.Гунбин, В.В.Суслов, Н.А.Омельянчук, Н.А.Колчанов // Сибирский экологический журнал. - 2004. - N 5. - С.611-620.

**НО**1. Генетические различия восточноевропейской и азиатской популяций вируса клещевого энцефалита сибирского подтипа / Л.С.Карань, В.В.Погодина, Т.В.Фролова, А.Е.Платонов // Бюллетень сибирской медицины. - 2006. - Т.5, N S1. - С.24-35.

**кх4**1. Геном человека - 91: Вторая Всесоюзная конференция. - Переяславль Залесский, 1991.

**Р11819/91-2** кх21. Геном человека - 93: Третья конференция: труды конференции. - Москва, 1993.

**Р11819/91-3** кх2 1. Глазко В.И. Введение в генетику: биоинформатика, ДНК-технология, генная терапия, ДНК-экология, протеомика, метаболика / В.И.Глазко, Г.В.Глазко; под ред. Т.Т.Глазко. - 2-е изд., испр. и доп. - Киев: КВIЦ, 2003. - 639 с.

**Е2005-189**1. Горбунов К.Ю. Быстрый алгоритм построения супердерева видов по набору белковых деревьев / К.Ю.Горбунов, В.А.Любецкий // Молекулярная биология. - 2012. - Т.46, N 1. - С.176.

**НО**1. [Горбунов К.Ю. Об одном алгоритме согласования деревьев генов и видов с учетом дупликаций, потерь и горизонтальных переносов генов](http://www.jip.ru/2010/140-144-2010.pdf) / К.Ю.Горбунов, В.А.Любецкий // Информационные процессы. - 2010. - Т.10, N 2. - С.140-144.
2. Гуляев И.П. Плазменная обработка полых порошков в камере переменного давления / И.П.Гуляев // Вестник Югорского государственного университета. - 2013. - N 2 (29). - С.23-30.

**Ч/з9**1. [Данилова Л.В. Поиск регуляторных сайтов в группах ортологичных генов гамма-протеобактерий](http://www.jip.ru/2002/DANI.pdf) / Л.В.Данилова, М.С.Гельфанд // Информационные процессы. - 2002. - Т.2, N 1. - С.59-61.
2. Действие агонистов мускариновых рецепторов ацетилхолина и неостигмина на теплоустойчивость поведения почвенной нематоды caenorhabditis elegans / Р.Р.Колсанова, Е.Б.Осипова, Т.Б.Калинникова, М.Х.Гайнутдинов // Проблемы современной науки. - 2012. - N 3. - С.3-8.
3. Деменков П.С. Associative Network Discovery (AND) - компьютерная система для автоматической реконструкции сетей ассоциативных знаний о молекулярно-генетических взаимодействиях / П.С.Деменков, Е.Э.Аман, В.A.Иванисенко // Вычислительные технологии. - 2008. - Т.13, N 2. - С.15-19.

**НО**1. Демиденко А.В. Продукты генов At1g21670 и At4g01870 A. Thaliana - возможные участники передачи сигнала фитогормона АБК / А.В.Демиденко, Д.А.Барташевич // Вестник Томского государственного университета. Биология. - 2011. - N 3. - С.143-146.

**Ч/з8**1. Донорно-акцепторные отношения у растений хлопчатника с различной степенью развития опушенности семян / Х.А.Абдуллаев, М.Н.Негматов, Б.М.Негматов, М.М.Саиднабиев, Б.Б.Гиясидинов, Б.А.Солиева, Х.Х.Каримов // Доклады Академии наук Республики Таджикистан. - 2010. - Т.53, N 10. - С.797-803.
2. [Дюк В.А. Опыт применения метода информационного структурного резонанса в задачах анализа данных ДНК-микрочипов](http://elibrary.ru/item.asp?id=15240152) / В.А.Дюк, Д.А.Толстоногов // Клинико-лабораторный консилиум. - 2010. - N 1. - С.19-26.
3. Ермолаев А.И. Сьюэл Райт и история эволюционной генетики / А.И.Ермолаев // Создатели современного эволюционного синтеза. - Санкт-Петербург, 2012. - С.126-164.

**Е0/С585** 021. Зеленцов В.А. Многокритериальный анализ влияния отдельных элементов на работоспособность сложной системы / В.А.Зеленцов, А.Н.Павлов // Информационно-управляющие системы. - 2010. - N 6. - С.7-12.

**Ч/з8**1. Иванов А.С. Методы экспериментальной валидации потенциальных белков-мишеней для новых лекарственных средств / А.С.Иванов, А.В.Веселовский, А.И.Арчаков // Биомедицинская химия. - 2005. - Т.51, N 1. - С.2-18.

**НО**1. Ивановский Р.Н. Выделение диссоциантов пурпурной фотосинтезирующей бактерии Rhodobacter sphaeroides и изучение их молекулярных, физиолого-биохимических и морфологических свойств / Р.Н.Ивановский, Е.С.Милько, Д.М.Милько // Микробиология. - 2013. - Т.82, N 2. - С.169.

**НО**1. [Изучение влияния клинико-генетических факторов на течение дисциркуляторной энцефалопатии с использованием методов распознавания](http://www.matbio.org/2011/Senko2011%286_115%29.pdf) / A.В.Кузнецова, И.В.Костомарова, Н.Н.Водолагина, Н.А.Малыгина, О.В.Сенько // Математическая биология и биоинформатика. - 2011. - Т.6, N 1. - С.115-146.
2. Имангулова М.М. Полиморфизм кластера гена интерлейкина 1 у больных туберкулезом легких / М.М.Имангулова, А.Р.Бикмаева, Э.К.Хуснутдинова // Цитокины и воспаление. - 2005. - Т.4, N 1. - С.36-41.

**кх4**1. Интегральная платформа «От гена до прототипа лекарства» in silico и in vitro / А.С.Иванов, А.В.Веселовский, А.В.Дубанов, В.С.Скворцов, А.И.Арчаков // Российский химический журнал. - 2006. - Т.50, N 2. - С.18-35.

**НО**1. Информационная поддержка исследования механизмов регуляции транскрипции: онтологический подход / Н.Л.Подколодный, Е.В.Игнатьева, О.А.Подколодная, Н.А.Колчанов // Вавиловский журнал генетики и селекции. - 2012. - Т.16, N 4-1. - С.742-755.

**НО**1. Испытание метода ПЦР в работе индикационной лаборатории мобильного комплекса СПЭБ при исследовании экспериментальных проб на холеру / С.О.Водопьянов, А.С.Водопьянов, И.П.Олейников, Р.В.Писанов, А.Б.Мазрухо // Здоровье населения и среда обитания. - 2011. - N 8. - С.43-45.
2. Казаков П.В. Способы мониторинга работы генетического алгоритма / П.В.Казаков // Вестник компьютерных и информационных технологий. - 2008. - N 9. - С.7-11.
3. [Климентова К.Б. Приложение задачи о Р-медиане с предпочтениями клиентов для кластерного анализа клеток рака](http://irgups.ru/sites/default/files/docs/3-23_09.pdf) / К.Б.Климентова // Современные технологии. Системный анализ. Моделирование. - 2009. - N 3. - С.33-38.

**кх4**1. Клишевич М.А. Исследование циклических контуров генных сетей с отрицательным типом регулирования / М.А.Клишевич, В.В.Когай // Вычислительные технологии. - 2006. - Т.11, N 5. - С.41-54.

**НО**1. Клонирование и характеристика гена SPATA4 рыбы-зебры и анализ его специфической экспрессии в гонадах (ускоренная публикация) / Ш.Лиу, Б.Лиу, Ш.Хи, И.Цао, Ц.Ванг // Биохимия. - 2005. - Т.70, N 6. - С.773-781.

**НО**1. [Козлов Н.Н. Математический анализ генетических кодов](http://www.matbio.org/downloads/Kozlov2006%281_70%29.pdf): [Электронный ресурс] / Н.Н.Козлов // Математическая биология и биоинформатика. - 2006. - Т.1, N 1-2. - С.70-96.
2. [Козлов Н.Н. Математический анализ одной биологической структуры](http://keldysh.ru/papers/2006/prep93/prep2006_93.pdf): [Электронный ресурс] / Н.Н.Козлов, М.Г.Бахарев // Препринты ИПМ им.М.В.Келдыша. - 2006. - N 93. - 24 с.
3. [Козлов Н.Н. Некоторые численные характеристики больших геномов](http://keldysh.ru/papers/2006/prep92/prep2006_92.pdf): [Электронный ресурс] / Н.Н.Козлов, С.С.Грязнов // Препринты ИПМ им. М.В.Келдыша. - 2006. - N 92. - 29 с.
4. Козлов Н.Н. Перекрывающиеся гены и структура генетического кода / Н.Н.Козлов // Препринты ИПМ им.М.В.Келдыша. - 2005. - N 113. - 24 с.

*Необычные природные явления всегда привлекали исследователей своей загадочностью. Одно из подобных явлений - перекрывающиеся гены, открытые в 1976 году стали предметом математических исследований автора. Перекрывающиеся гены это случаи записи, когда одним и тем же участком ДНК закодированы две и более (теоретически - до шести) белковые последовательности. Первоочередная задача состояла в оценке потенциала генетического кода, который может использовать природа для построения 5-и возможных случаев перекрывания пар генов. В ходе решения такой задачи было обнаружено неизвестное ранее свойство генетического кода, которое содержится в его структуре в неявном виде. Анализ этого свойства привел к неизвестному ранее подходу к проблеме «выбора» генетического кода в ходе эволюции, а также к установлению общего свойства всех известных на сегодня природных кодов (их 15). Показана также функциональная значимость переосмысленных кодонов или кодонов отклоняющих код от его стандартной структуры.*1. [Козлов Н.Н. Расчет генетического кода](http://keldysh.ru/papers/2010/source/prep2010_26.pdf): [Электронный ресурс] / Н.Н.Козлов // Препринты ИПМ им.М.В.Келдыша. - 2010. - N 26. - 23 с.
2. [Козлов Н.Н. Элементарные генетические перекрытия](http://keldysh.ru/papers/2004/prep64/prep2004_64.html): [Электронный ресурс] / Н.Н.Козлов // Препринты ИПМ им.М.В.Келдыша. - 2004. - N 64. - 28 с.
3. Компьютерный анализ данных экспрессии генов в клетках мозга, полученных с помощью микрочипов и высокопроизводительного секвенирования / И.В.Медведева, О.В.Вишневский, Н.С.Сафронова, О.С.Кожевникова и др. // Вавиловский журнал генетики и селекции. - 2013. - Т.17, N 4-1. - С.629-638.

**НО**1. Компьютерный анализ структуры липаз бактерий pода Geobacillus и выявление мотивов, влияющих на их термостабильность / К.Н.Сорокина, М.А.Нуриддинов, А.С.Розанов, В.А.Иванисенко, С.Е.Пельтек // Вавиловский журнал генетики и селекции. - 2013. - Т.17, N 4-1. - С.666-674.

**НО**1. [Корнилов В.С. О методах операторных уравнений вольтерра решения обратных динамических задач для гиперболических уравнений](http://elibrary.ru/download/55035378.pdf) / В.С.Корнилов // Вестник Московского городского педагогического университета. Серия, Информатика и информатизация образования. - 2003. - N 1. - С.73-89.
2. [Королев С.А. Модель ранней эволюции геномов и формирования видов](http://www.jip.ru/2013/336-337-2013.pdf) / С.А.Королев, В.А.Любецкий, А.В.Селиверстов // Информационные процессы. - 2013. - Т.13, N 4. - С.336-337.
3. Коротков Е.В. Биоинформатика и поиск сдвигов рамки считывания в генах / Е.В.Коротков, М.А.Короткова // Информационные технологии и вычислительные системы. - 2010. - N 1. - С.3-23.
4. [Коротков Е.В. К вопросу о распознавании скрытой периодичности в последовательностях ДНК](http://www.matbio.org/article.php?journ_id=16&id=169) / Е.В.Коротков, А.А.Шеленков, М.А.Короткова // Математическая биология и биоинформатика. - 2013. - Т.8, N 2. - С.529-536.
5. [Коротков Е.В. Сдвиг фазы триплетной периодичности в нуклеотидных последовательностях генов](http://www.matbio.org/downloads/Korotkov2009%284_66%29.pdf) / Е.В.Коротков, В.М.Руденко // Математическая биология и биоинформатика. - 2009. - Т.4, N 2. - С.66-80.
6. Корреляция области вариабельного тандемного повтора VCB (VNTR VcB) и гена токсинкорегулируемых пилей (tcpA) у возбудителя холеры: компьютерный анализ / А.С.Водопьянов, С.О.Водопьянов, Б.Н.Мишанькин, И.П.Олейников // Здоровье населения и среда обитания. - 2014. - N 4 (253). - С.14-16.

**Ч/з8**1. Лахно В.Д. Прикладные задачи математической биологии и биоинформатики / В.Д.Лахно // Биофизика. - 2011. - Т.56, N 6. - С.1071-1081.

**НО**1. Левченко М.Е. Пептидные рецепторы, сопряженные с g-белками, и их эндогенные лиганды в геноме человека / М.Е.Левченко, В.В.Поройков, М.Канехиса // Биомедицинская химия. - 2004. - Т.50, N 2. - С.149-158.

**НО**1. [Любецкий В.А. Вычисление эффективности регуляции биосинтеза триптофана у бактерий на основе модели классической аттенюации](http://www.jip.ru/2006/55-57-2006.pdf) / В.А.Любецкий, А.В.Селиверстов // Информационные процессы. - 2006. - Т.6, N 1. - С.55-57.
2. Любецкий В.А. Гиббсовский подход в задаче эволюции регуляторного сигнала экспрессии гена / В.А.Любецкий, Е.А.Жижина, Л.И.Рубанов // Проблемы передачи информации. - 2008. - Т.44, N 4. - С.52-71.

**НО**1. [Любецкий В.А. Поиск консервативных участков в лидерных областях генов в случае известного дерева видов](http://www.jip.ru/2005/265-270.pdf) / В.А.Любецкий, А.В.Селиверстов // Информационные процессы. - 2005. - Т.5, N 4. - С.265-270.
2. Медведева Ю.А. Исследование функциональных особенностей CpG островов, в частности участвующих в инициации транскрипции во внутригенных и межгенных областях генома человека, методами биоинформатики: автореферат диссертации на соискание ученой степени кандидата биологических наук: 03.01.03 / Ю.А.Медведева; [Гос. НИИ генетики и селекции пром. микроорганизмов]; 10-25140а. - М., 2010. - 23 с.

**А2010-25140**1. [Метод исправления ошибок в наборе чтений нуклеотидной последовательности](http://ntv.ifmo.ru/file/article/863.pdf) / А.В.Александров, С.В.Казаков, С.В.Мельников, А.А.Сергушичев, Ф.Н.Царев, А.А.Шалыто // Научно-технический вестник информационных технологий, механики и оптики. - 2011. - N 5 (75). - С.81-84.
2. Молекулярно-эпидемиологическая характеристика и возможное происхождение vibrio cholerae не 01/не 0139 с полным и ограниченным набором генов вирулентности / Г.А.Ерошeнко, Л.М.Куклeва, Н.Ю.Шавина, В.В.Кутырeв // Журнал микробиологии, эпидемиологии и иммунобиологии. - 2007. - N 5. - С.24-28.

**НО**1. [Мультиспецифичные промоторные островки как участки генома с необычными структурными и функциональными свойствами](http://www.matbio.org/article.php?journ_id=16&id=162) / В.В.Панюков, С.С.Киселев, К.С.Шавкунов, И.С.Масулис, О.Н.Озолинь // Математическая биология и биоинформатика. - 2013. - Т.8, N 2. - С.432-448.
2. Мустафин З.С. Высокопроизводительное моделирование эволюции прокариотических сообществ с использованием программного комплекса «гаплоидный эволюционный конструктор» / З.С.Мустафин, Ю.Г.Матушкин, С.А.Лашин // Вавиловский журнал генетики и селекции. - 2012. - Т.16, N 4-1. - С.825-829.

**НО**1. Недостаточность трипептидил пептидазы 1 при нейрональном цероидном липофусцинозе. Новая мутация / А.М.Букина, И.В.Цветкова, А.Н.Семячкина, Е.С.Ильина // Вопросы медицинской химии. - 2002. - Т.48, N 6. - С.594-598.

**НО**1. Нетипичные чередования органов цветка у Paeonia: структура и возможный механизм формирования / М.Д.Логачева, П.А.Прудковский, С.В.Ефимов, А.А.Пенин // Онтогенез. - 2007. - Т.38, N 6. - С.463-470.

**НО**1. [Оценка потенциальной функциональной значимости полиморфизмов IVS2(+4) t/c, IVS4(-44) t/c и IVS5(-47) a/g гена HFE, ассоциированного с наследственным гемохроматозом человека](http://www.matbio.org/downloads/Mikhailova2008%283_60%29.pdf) / С.В.Михайлова, В.Н.Бабенко, В.Н.Максимов, М.И.Воевода, В.Ф.Кобзев, А.Г.Ромащенко // Математическая биология и биоинформатика. - 2008. - Т.3, N 2. - С.60-68.
2. Первая Всесоюзная конференция "Геном человека-90". - М., 1990. - 239 с.

**Г90-14853**1. Постгеномные методы анализа в биологии, лабораторной и клинической медицине: геномика, протеомика, биоинформатика: тезисы II международной научно-практической конференции, 14-17 ноября 2011 года, Новосибирск. - Новосибирск: ИЦИГ, 2011. - 142 с.

**Д2011-3235**1. Потапов И.С. Анализ динамических режимов взаимодействующих синтетических генетических репрессиляторов / И.С.Потапов, Е.И.Волков // Компьютерные исследования и моделирование. - 2010. - Т.2, N 4. - С.403-418.
2. [Применение программной системы ExpertDiscovery для поиска закономерностей структурно-функциональной организации регуляторных районов генов](http://math.nsc.ru/AP/ScientificDiscovery/PDF/vestnik_ngu_2010_primenenie_systemi_expertdiscovery.pdf) / И.В.Хомичева, Е.Е.Витяев, Е.В.Игнатьева, Е.А.Ананько, Т.И.Шипилов // Вестник Новосибирского государственного университета. Сер., Информационные технологии. - 2010. - Т.8, N 1. - С.12-26.

**НО**1. Применение эндонуклеаз рестрикции BST2V I и АСС65 I для обнаружения КРП I - полиморфизма гена NAT2 / М.В.Никишина, А.Г.Акишев, С.И.Макарова, В.А.Вавилин, С.Х.Дегтярев, В.В.Ляхович // Биомедицинская химия. - 2004. - Т.50, N 3. - С.269-272.

**НО**1. [Программный комплекс SNP-MED для анализа влияния однонуклеотидных полиморфизмов на функцию генов, связанных с развитием социально значимых заболеваний](http://www.bionet.nsc.ru/vogis/download/17-4%282%29/03_Podkolodny.pdf) / Н.Л.Подколодный, Д.А.Афонников, Ю.Ю.Васькин, Л.О.Брызгалов и др. // Вавиловский журнал генетики и селекции. - 2013. - Т.17, N 4-1. - С.577-588.

**НО**1. Ратушный А.В. Исследование динамики функционирования генных сетей методами математического моделирования: автореф. дис. на соиск. учен. степ. канд. биол. наук: 03.00.28 / А.В.Ратушный; [Ин-т цитологии и генетики СО РАН]. - Новосибирск, 2006. - 17 с.

**А2006-3137** кх21. [Регуляция транскрипции гена chll у Viridiplantae](http://www.jip.ru/2012/172-175-2012.pdf) / К.В.Лопатовская, О.А.Зверков, А.В.Селиверстов, В.А.Любецкий // Информационные процессы. - 2012. - Т.12, N 3. - С.172-175.
2. Ройтберг М.А. Сравнительный анализ первичных структур нуклеиновых кислот и белков / М.А.Ройтберг // Молекулярная биология. - 2004. - Т.38, N 1. - С.92-103.

**НО**1. [Руденко В.М. Применение метода Монте-Карло для поиска потенциальных сдвигов рамки считывания в генах](http://www.matbio.org/article.php?journ_id=11&id=76) / В.М.Руденко, Е.В.Коротков // Математическая биология и биоинформатика. - 2011. - Т.6, N 1. - С.79-91.
2. [Селиверстов А.В. Структура РНК перед геном 2-изопропилмалат синтазы у некоторых протеобактерий](http://www.jip.ru/2007/113-115-2007.pdf) / А.В.Селиверстов, В.А.Любецкий // Информационные процессы. - 2007. - Т.7, N 1. - С.113-115.
3. Синтез новых ДНК-биосенсоров для определения митохондриального гена стерильности пыльцы подсолнечника / А.В.Усатов, Н.В.Маркин, А.А.Устенко, В.С.Лотник, А.Е.Панич // Инженерный вестник Дона. - 2011. - Т.18, N 4. - С.228-233.
4. Скрининг мутаций в гене проопиомеланокортина у больных конституционально-экзогенным ожирением / Ю.А.Панков, С.Б.Яцышина, С.К.Карпова, М.К.Чехранова, Ю.П.Попова, О.Н.Григорян, Е.И.Рогаев // Вопросы медицинской химии. - 2002. - Т.48, N 1. - С.120-131.

**НО**1. Сравнительное изучение генов ДНК-лигаз бактериофагов T4 и T6 / А.В.Калиман, А.А.Зимин, Н.Н.Назипова, В.М.Крюков, В.И.Таняшин, А.С.Краев, М.В.Миронова, К.Г.Скрябин, А.А.Баев // Доклады Академии наук. 1988. - Т.299, N 3. - С.737-742.

**НО**1. Статистический анализ участков ДНК в окрестности сайтов сплайсинга / О.М.Корзинов, Т.В.Астахова, П.К.Власов, М.А.Ройтберг // Молекулярная биология. - 2008. - Т.42, N 1. - С.150-162.

**НО**1. Суворова Ю.М. Изучение геномной специфичности триплетной периодичности генов прокариот / Ю.М.Суворова, Е.В.Коротков // Вестник Национального исследовательского ядерного университета МИФИ. - 2014. - Т.3, N 2. - С.232.
2. Суворова Ю.М. Изучение точек разладки триплетной периодичности в нуклеотидных последовательностях генов / Ю.М.Суворова, М.А.Короткова, Е.В.Коротков // Прикладная информатика. - 2012. - N 5 (41). - С.75-88.
3. Трансфекция эукариотических клеток геном цитохрома cyp450 2b6: появление чувствительности к циклофосфамиду / С.Н.Коломейчук, О.Ю.Абакумова, М.А.Маслов, Е.А.Калашникова, Н.Г.Морозова, Г.А.Серебренникова, В.И.Швец, Н.Н.Соколов // Вопросы медицинской химии. - 2002. - Т.48, N 5. - С.469-476.

**НО**1. [Федосеева В.Б. Множественные места локализации нуклеосом ассоциированы с участками связывания ДНК с ядерным матриксом](http://www.matbio.org/downloads/Fedoseeva2007%282_181%29.pdf) / В.Б.Федосеева // Математическая биология и биоинформатика. - 2007. - Т.2, N 1. - С.181-187.
2. Чалей М.Б. Информационный подход к выявлению сходства генов ТРНК и их глобальная классификация / М.Б.Чалей, Е.В.Коротков // Известия Российской академии наук. Серия биологическая. - 1991. - N 6. - С.915-927.

**НО**1. Чалей М.Б. Структура белков и скрытая периодичность в генах / М.Б.Чалей, В.А.Кутыркин // Вестник Московского университета. Серия 16: Биология. - 2010. - N 4. - С.4-6.

**НО**1. Эволюция транскрипционной регуляции синтеза пролина у гамма-протеобактерий / К.В.Лопатовская, К.Ю.Горбунов, Л.Ю.Русин, А.В.Селиверстов, В.А.Любецкий // Вестник Московского университета. Сер.16, Биология. - 2010. - N 4. - С.92-94.

**НО**1. Экспрессия гена цитохрома CYP51 Mycobacterium Tuberculosis в Escherichia Coli / А.С.Шавкунов, В.Н.Лазарев, В.Г.Згода, В.М.Говорун, П.Леви, П.Янссен, А.И.Арчаков // Биомедицинская химия. - 2003. - Т.49, N 2. - С.145-152.

**НО**1. [Электронная библиотека знаний для аннотации геномной ДНК](http://www.elbib.ru/index.phtml?page=elbib/rus/journal/1999/part3/ponom) / М.П.Пономаренко, Ю.В.Пономаренко, А.С.Фролов, А.В.Кочетов, Ф.А.Колпаков, Н.А.Колчанов, Н.Л.Подколодный // Электронные библиотеки. - 1999. - Т.2, N 3. - С.10.
2. [Якубова М.М. Молекулярно-генетические аспекты регуляции устойчивости в растительной клетке](http://elibrary.ru/download/14822671.pdf) / М.М.Якубова // Доклады Академии наук Республики Таджикистан. - 2011. - Т.54, N 3. - С.228-232.
3. An improved method for analytical modeling and anticipation of gene expression patterns / M.U.Akhmet, H.Цktem, G.W.Weber, J.Gebert, S.W.Pickl // Вычислительные технологии. - 2005. - Т.10, N 4. - С.3-20.

**НО**1. Analyzing and optimizing genetic network structure via path-finding / J.Gebert, M.Laetsch, E.M.P.Quek, G.W.Weber // Вычислительные технологии. - 2004. - Т.9, N 3. - С.3-12.

**НО**1. Bioinformatics for geneticists: a bioinformatics primer for the analysis of genetic data / [ed.]: M. R. Barnes. - 2nd ed. - Chichester: Wiley, 2007. - XXII,554 p.

*Перевод заглавия: Биоинформатика для генетиков.***Библиотека сети 040**1. Bioinformatics methods and next generation sequencing technologies, International school for young scientists (2011; Novosibirsk). The International school for young scientists "Bioinformatics methods and next generation sequencing technologies": progr. a. abstr., Aug. 26-30, 2011, Inst. of cytology a. genetics SB RAS, Novosibirsk. - Novosibirsk, 2011. - 22 p.

*Перевод заглавия: Методы биоинформатики и новые технологии секвенирования геномов: программа и тезисы докладов международной школы молодых ученых.***I2011-17**1. Bioinfowf - система автоматической генерации web-интерфейсов и web-сервисов для биоинформационных исследований / М.А.Генаев, Е.Г.Комышев, К.В.Гунбин, Д.А.Афонников // Вавиловский журнал генетики и селекции. - 2012. - Т.16, N 4-1. - С.849-857.

**НО**1. Computational approaches for 2d and 3d modeling of the macro-architecture of native chromosomes in sperm genome of drosophila melanogaster / I.D.Alexandrov, M.V.Alexandrova, V.V.Ivanov, V.A.Stepanenko // Вестник Российского университета дружбы народов. Сер., Математика, информатика, физика. - 2010. - N 3-2. - С.37-40.
2. Ergenс T. Modeling and prediction of gene-expression patterns reconsidered with runge - kutta discretization / T.Ergenс, G.W.Weber // Вычислительные технологии. - 2004. - Т.9, N 6. - С.40-48.

**НО**1. International conference on bioinformatics of genome regulation and structure (1; 1998; Novosibirsk). Proceedings of the first International conference on bioinformatics of genome regulation and structure: BGRS'98; Novosibirsk-Altai mountains, Russia, Aug. 24-31, 1998. - Novosibirsk: ICG, [s. a.]

*Перевод заглавия: Труды 1-ой Международной конференции по биоинформатике регуляции и структуры генома.***Q2001-8**1. International conference on bioinformatics of genome regulation and structure (2; 2000; Novosibirsk). Proceedings of the Second International conference on bioinformatics of genome regulation and structure: BGRS'2000, Novosibirsk, Russia, Aug. 7-11, 2000 / Russ. acad. of sciences. Siberian branch. Inst. of cytology a. genetics. - Novosibirsk, [s. a.]

*Перевод заглавия: Труды Второй Международной конференции по биоинформатике регуляции и структуры генома.***Q2001-9**1. International conference on bioinformatics of genome regulation and structure (5; 2006; Novosibirsk). 5th International conference on bioinformatics of genome regulation and structure: proc., July 16-22, 2006, Novosobirsk: in 3 vol. / ed. by N. Kolchanov, R. Hofestadt. - Novosibirsk: Inst. of cytology a. genetics, 2006

*Перевод заглавия: Международная конференция по биоинформатике геномной регуляции и структуре.*1. Phylogenetic assay of maturase K, ribulose bisphosphate carboxylase (rbcL) sequences, and pollen structure of representatives of the family Amaranthaceae Juss / O.O.Martyniuk, A.G.Nalian, J.E.Van-Kley, O.V.Martynova-Van-Kley // Biotechnologia Acta. - 2009. - Т.2, N 2. - С.098-104.
2. Sicheritz-Ponten T. Bioinformatic tools for the analysis of microbial genomes / T.Sicheritz-Ponten. - Uppsala, 2000. - 38 p. - (Acta universitatis Upsaliensis. Comprehensive summaries of Uppsala dissertations from the faculty of science and technology; 510)

*Перевод заглавия: Биоинформационные средства для анализа микробных геномов.***W5052/510**1. [Slishchuk G.I. Біоінформатичний аналіз вторинної структури тринскриптів інтрона 1 гена whp1 кукурудзи = Bioinformatics analysis of the secondary structure of maize whp1 gene intron 1 transcripts](http://elibrary.ru/item.asp?id=17732902) / G.I.Slishchuk, N.E.Volkova, Yu.M.Sivolap // Biopolymers and cell. - 2012. - Т.28, N 2. - С.156-160.
2. Torshin I.Iu. Genes and cerebrovascular pathology (genes and nucleotide polymorphisms in some types of physiological shifts and pathological processes) / I.Iu.Torshin, O.A.Gromova, A.A.Nikonov // Журнал неврологии и психиатрии им. C.C. Корсакова. - 2009. - Т.109, N 5. - С.77-85.

**НО**

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
|   | БИОИНФОРМАЦИОННЫЙ ПОДХОД В МЕДИЦИНЕ | [Разделы выставки](http://www.prometeus.nsc.ru/archives/exhibit2/bioinf.ssi#top) |

 1. Архипова Н.Н. Биоинформационный анализ офтальмологических параметров у больных бронхиальной астмой на Севере: автореферат диссертации на соискание ученой степени кандидата медицинских наук: 03.01.09 / Н.Н.Архипова; [Ханты-Мансийс. гос. мед. акад.]. - Сургут, 2011. - 23 с.

**А2011-22788**1. Багнетова Е.А. Биоинформационный анализ факторов риска, влияющих на здоровье участников образовательного процесса в условиях ХМАО-Югры: автореферат диссертации на соискание ученой степени доктора биологических наук: 03.01.09 / Е.А.Багнетова; [Ханты-Манс. гос. мед. акад.]. - Сургут, 2012. - 43 с.

**А2012-15364**1. [Биоинформационный анализ хаотической динамики положения электрической оси сердца учащихся Югры](http://elibrary.ru/item.asp?id=21406851) / О.Л.Нифонтова, А.Г.Привалова, С.В.Власова, Ю.А.Юсифов // Сложность. Разум. Постнеклассика. - 2013. - Т.2, N 3 (4). - С.30-34.
2. Бурмасова А.В. Биоинформационный анализ параметров организма больных язвенной болезнью двенадцатиперстной кишки на урбанизированном Севере: автореферат диссертации на соискание ученой степени кандидата медицинских наук: 03.01.09: 14.01.04 / А.В.Бурмасова; [Сургут. гос. ун-т ХМАО-Югры]. - Сургут, 2012. - 23 с.

**А2012-22373**1. Введение в предиктивно-превентивную медицину: опыт прошлого и реалии дня завтрашнего / Т.А.Бодрова, Д.С.Костюшев, Е.Н.Антонова, Д.А.Гнатенко и др. // Вестник Российской академии медицинских наук. - 2013. - N 1. - С.58-64.

**НО**1. Влияние полиморфизма гена rs738409 PNPLA3 на уровень сывороточного адипонектина у больных с неалкогольной жировой болезнью печени / М.М.Каримов, Г.Н.Собирова, Д.А.Далимова, З.З.Саатов, А.Л.Аляви // Вестник клуба панкреатологов. - 2013. - N 1 (18). - С.49-50.
2. Вуз. Здоровье. Интеллект: биоинформационные оздоровительные технологии: материалы I междунар. науч.-практ. конф., г. Волгоград, 26-28 сент. 2001 г. / отв. ред. Т.Г.Коваленко. - Волгоград: ВолГУ, 2001. - 343 с.

**Г2002-12479**1. Вуз. Здоровье. Интеллект: педагогические, биоинформационные и оздоровительные технологии: материалы II междунар. науч.-практ. конф., г. Геленджик, 5-7 июня 2002 г. / отв. ред. Т.Г.Коваленко. - Волгоград, 2002. - 494 с.

**Г2003-6714**1. Дроздович Е.А. Биоинформационный анализ нарушений вегетативной регуляции сердечной деятельности у больных ожирением и сахарным диабетом 2 типа в Югре: автореферат диссертации на соискание ученой степени кандидата медицинских наук: 03.01.09: 14.01.04 / Е.А.Дроздович; [Сургут. гос. ун-т ХМАО-Югры]; 12-21646а. - Сургут, 2012. - 26 с.

**А2012-21646**1. Дронь А.Ю. Биоинформационный анализ состояния сердечно-сосудистой системы при функциональных нарушениях позвоночника: автореферат диссертации на соискание ученой степени кандидата биологических наук: 03.01.09 / А.Ю.Дронь; [Сургут. гос. ун-т ХМАО-Югры]. - Сургут, 2012. - 22 с.

**А2012-22369**1. Дудин Н.А. Биоинформационный подход в оценке состояния хирургических больных с патологией желчевыводящих путей: автореферат диссертации на соискание ученой степени кандидата медицинских наук: 03.01.09 / Н.А.Дудин; [Сургут. гос. ун-т ХМАО-Югры]. - Сургут, 2013. - 22 с.

**А2014-2308**1. [Дюк В.А. Лаборатория биомедицинской информатики СПИИРАН](http://elibrary.ru/item.asp?id=19416924) / В.А.Дюк, С.Б.Рудницкий // Труды СПИИРАН. - 2013. - N 3 (26). - С.384-409.
2. Еськов В.В. Биоинформационный подход в диагностике и оценке использования методов восстановительной медицины: автореферат диссертации на соискание ученой степени кандидата медицинских наук: 14.03.11 / В.В.Еськов; [Сургут. гос. ун-т ХМАО-Югры]. - Москва, 2011. - 23 с.

**А2011-8831**1. Ефимова О.В. Биоинформационный анализ параметров организма больных хронической обструктивной болезнью легких с сопутствующими малыми формами туберкулеза легких на Севере: автореферат диссертации на соискание ученой степени кандидата медицинских наук: 03.01.09 / О.В.Ефимова. - Сургут, 2013. - 22 с.

**А2014-1512**1. Зарубина Т.В. О проблемах эволюции специальностей научных работников по медицинской кибернетике и информатике в России / Т.В.Зарубина, Е.С.Пашкина // Врач и информационные технологии. - 2011. - N 2. - С.47-54.
2. [Иванов А.С. Биоинформатика: путь от генома к лекарству in silico](http://elibrary.ru/item.asp?id=18797062) / А.С.Иванов, В.В.Поройков, А.И.Арчаков // Вестник Российского государственного медицинского университета. - 2003. N 4. - С.19-23.
3. Иванов А.С. Основные принципы молекулярного конформационного анализа для медико-биологов / А.С.Иванов // Биомедицинская химия. - 2007. - Т.53, N 6. - С.713-728.

**НО**1. Иванов В.А. Биоинформационные характеристики нервного аппарата различных анатомических зон ушной раковины человека в норме и при инфаркте миокарда / В.А.Иванов, А.В.Новиков, Е.А.Яковлева // Системный анализ и управление в биомедицинских системах. - 2012. - Т.11, N 1. - С.66-69.

**Ч/з8**1. Иванов Д.В. Распространение и механизмы резистентности микроорганизмов, продуцирующих бета-лактамазы. Фенотипический скрининг продуцентов металло-бета-лактамаз (карбапенемаз подкласса в1) штаммов бактерий рода pseudomonas при внутрибольничных инфекциях / Д.В.Иванов, A.M.Егоров // Биомедицинская химия. - 2007. - Т.53, N 6. - С.653-661.

**НО**1. Избирательная модуляция роста позитивной флоры кишечника - новая концепция воздействия метаболического пребиотика Хилак Форте / О.А.Лиманова, Е.И.Гарасько, И.Ю.Торшин, О.А.Громова // Фарматека. - 2012. - N 20 (253). - С.47-56.

**Ч/з8**1. Исследование митогенетических сигнальных путей в клетке у онкологических больных с помощью программного комплекса OncoFinder / М.Б.Корзинкин, Ф.Ю.Смирнов, Л.С.Венкова, А.В.Крупнов и др. // Саратовский научно-медицинский журнал. - 2013. - Т.9, N 4. - С.775-780.

**Ч/з8**1. Коваленко Т.Г. Биоинформационные оздоровительные технологии в системе физического воспитания и реабилитации студентов с ослабленным здоровьем / Т.Г.Коваленко; Волгогр. гос. ун-т. - Волгоград: Волгогр. гос. ун-т, 1999. - 117 с.

**Г2000-5596**1. [Копытов А.В. Возможности исследования предрасположенности к раннему алкоголизму на основе технологии ДНК-биочипов](http://www.bsmu.by/medicaljournal/878b5066eee61326b710f890961cd7d0/) / А.В.Копытов, Л.П.Титов, К.И.Павлов // Медицинский журнал. - 2013, N 4 (46). - С.7-11.
2. Методы предсказания сайтов посттрансляционной модификации при образовании липопротеинов / Е.С.Маракасова, Е.И.Ярыгина, А.В.Шибаева, М.В.Баловнева, А.Б.Шевелев // Здоровье населения и среда обитания. - 2013. - N 5 (242). - С.33-35.

**Ч/з8**1. Молекулярно-фармакологические механизмы стимуляции гиперкоагуляции препаратами пероральных и трансдермальных эстрогенов / О.А.Громова, И.Ю.Торшин, Н.К.Тетруашвили, О.А.Лиманова, В.Н.Серов // Гинекология. - 2014. - Т.1, N 2. - С.22-28.

**Ч/з8**1. [Молекулярные механизмы воздействия аминокислот в составе церебролизина на нейротрансмиссию. Нейротрофические и нейропротективные эффекты аминокислот](http://t-pacient.ru/articles/6543/) / О.А.Громова, И.Ю.Торшин, Е.И.Гусев, А.А.Никонов, О.А.Лиманова // Трудный пациент. - 2010. - Т.8, N 4. - С.25-31.
2. Насирова А.Р. Биоинформационный анализ параметров организма женщин Югры: автореферат диссертации на соискание ученой степени кандидата биологических наук: 03.01.09 / А.Р.Насирова. - Сургут, 2012. - 23 с.

**А2012-15449**1. Никитина Ю.В. Биоинформационный анализ влияния фармакотерапии на систему гемостаза при синдроме критической ишемии нижних конечностей: автореферат диссертации на соискание ученой степени кандидата медицинских наук: 03.01.09 / Ю.В.Никитина. - Сургут, 2013. - 23 с.

**А2013-7349**1. [Одинець K.A. Аналіз неструктурованих ділянок цитоплазматичної тирозил-тРНК синтетази людини методами біоінформатики](http://www.biopolymers.org.ua/pdf/uk/21/5/446/biopolym.cell-2005-21-5-446-uk.pdf) / K.A.Одинець, A.I.Корнелюк // Біополімери і клітина. - 2005. - Т.21, N 5. - С.446-453.

**кх3**1. Особенности нейроиммунных межклеточных взаимоотношений в поджелудочной железе при хроническом панкреатите / Е.И.Чумасов, Н.А.Майстренко, Д.Э.Коржевский, Е.С.Петрова, В.С.Довганюк, А.С.Прядко, И.Ю.Бойко // Вестник Российской военно-медицинской академии. - 2013. - N 3 (43). - С.135-139.
2. Павлов А.Н. Биоинформационные основы жизнедеятельности: учеб. пособие: [по направлению подгот. дипломир. специалистов 210400 "Телекоммуникации"] / А.Н.Павлов. - М.: Гринлайт, 2008. - 230 с. - (Экология и безопасность жизнедеятельности).

**Г2008-5182**1. Панков Ю.А. Белковые гормоны, рецепторы и другие белки в механизмах гормональной регуляции / Ю.А.Панков // Биомедицинская химия. - 2004. - Т.50, N 2. - С.121-135.

**НО**1. Панков Ю.А. Достижения в исследовании молекулярной генетики сахарного диабета / Ю.А.Панков // Биомедицинская химия. - 2005. - Т.51, N 2. - С.107-117.

**НО**1. Перспективы использования препаратов на основе органических солей кальция. Молекулярные механизмы кальция / О.А.Громова, И.Ю.Торшин, Т.Р.Гришина, А.В.Лисица // Лечащий врач. - 2013. - N 4. - С.42.

**Ч/з8**1. Предиктивно-превентивная и персонифицированная медицина как новая отрасль здравоохранения и ее перспективы / Х.М.Галимзянов, Н.Н.Тризно, Ю.М.Лопухин, Т.А.Бодрова и др. // Астраханский медицинский журнал. - 2013. - Т.8, N 1. - С.64-70.

**Ч/з8**1. Разработка демонстрационной модели компьютерной программы статистического анализа клинических данных госпитального регистра инсультов пациентов МСЧ, подведомственных ФМБА России / Э.П.Коровкина, А.П.Бирюков, А.Г.Белевитин, Н.С.Шевченко // Медицина в XXI веке: тенденции и перспективы II Международная научная Интернет-конференция. - 2013. - С.147-148.
2. Разумов А.Н. Адаптационные резервы организма и их коррекция с применением биоинформационных технологий / А.Н.Разумов, Л.В.Шарова, Ю.И.Кравцов; М-во образования и науки Рос. Федерации, Перм. гос. пед. ун-т. - Пермь: ПГПУ, 2011. - 298 с.

**Г2013-6363**1. [Реконструкция путей сигнальной трансдукции, участвующих в развитии рассеянного склероза у человека](http://conf.nsc.ru/files/conferences/Lyap-100/fulltext/75195/84403/%D0%A8%D0%B0%D1%80%D0%B8%D0%BF%D0%BE%D0%B2%20%D0%A0.%D0%9D%20%D0%B8%20%D1%81%D0%BE%D0%B0%D0%B2%D1%82..pdf) / Р.Н.Шарипов, И.С.Евшин, М.Л.Филипенко, Ю.В.Кондрахин и др. // Современные проблемы математики, информатики и биоинформатики: [Электронный ресурс]: международ. конф., посвящ. 100-летию со дня рождения А.А. Ляпунова, 11-14 окт. 2011 г., Академгородок, Новосибирск. - Новосибирск, 2011.
2. [Ретроспективный анализ культур Vibrio choleraе non o1/non o139, выделенных от людей, на территории республики Узбекистан с 1987 по 1990 гг., с помощью ГИС «холера-штаммы-VNTR»](http://rostgmu.ru/wp-content/uploads/2013/09/zurnal_medvestnik_2_2013.pdf) / С.О.Водопьянов, М.В.Полеева, Н.Р.Телесманич, А.С.Водопьянов, В.В.Агафонова // Медицинский вестник Юга России. - 2013. - N 2 (12). - С.44-48.

**Ч/з8**1. Рудницкая И.П. Биоинформационный анализ показателей осложнений, их профилактики при длительном диспансерном наблюдении за больными с микст-патологией на Севере: автореферат диссертации на соискание ученой степени кандидата медицинских наук: 03.01.09: 14.01.04 / И.П.Рудницкая. - Сургут, 2012. - 23 с.

**А2012-22671**1. Русак С.Н. Биоинформационный анализ хаотической динамики климатоэкологических факторов и их влияние на здоровье населения Югры: автореферат диссертации на соискание ученой степени доктора биологических наук: 03.01.09 / С.Н.Русак. - Сургут, 2013. - 38 с.

**А2014-2297**1. Рыбалка О.О. Биоинформационный анализ эффективности диспансеризации больных бронхиальной астмой с сопутствующим сахарным диабетом II типа в условиях Югры: автореферат диссертации на соискание ученой степени кандидата медицинских наук: 03.01.09: 14.01.04 / О.О.Рыбалка Оксана Олеговна. - Сургут, 2013. - 22 с.

**А2013-14239**1. Рымогаева Н.В. Биоинформационный анализ вторичной профилактики микст-патологии с холодовым бронхообструктивным синдромом на Севере: автореферат диссертации на соискание ученой степени кандидата медицинских наук: 03.01.09, 14.01.04 / Н.В.Рымогаева. - Сургут, 2011. - 23 с.

**А2011-22288**1. Сафин Р.М. Биоинформационный анализ вариабельности сердечного ритма и вазореактивности сердечного ритма и вазореактивности у спортсменов с разной направленностью тренировочного процесса в Югре: автореферат диссертации на соискание ученой степени кандидата биологических наук: 03.01.09 / Р.М.Сафин. - Сургут, 2012. - 22 с.

**А2012-15603**1. [Сафонов И.В. Разработка системы диагностики патологий в строении речевого аппарата человека на основе спектрального анализа голоса](http://ics.khstu.ru/media/2010/N24_31.pdf) / И.В.Сафонов, Р.В.Литовкин, Ю.П.Муха // Информатика и системы управления. - 2010. - N 2. - С.91-94.
2. [Селиверстов А.В. Особенности синтеза цистеина у Corynebacterium, Mycobacterium и Propionibacterium](http://www.jip.ru/2004/247-250.pdf) / А.В.Селиверстов, В.А.Любецкий // Информационные процессы. - 2004. - Т.4, N 3. - С.247-250.
3. [Селиверстов А.В. Регуляция трансляции в хлоропластах](http://www.jip.ru/2005/400-404.pdf) / А.В.Селиверстов, В.А.Любецкий // Информационные процессы. - 2005. - Т.5, N 5. - С.400-404.
4. Связь полиморфизма генов липопротеинлипазы и белка-переносчика эфиров холестерина с продолжительностью жизни больных хронической ишемией мозга / И.В.Костомарова, Н.Н.Водолагина, Н.А.Малыгина, З.С.Митина // Клиническая медицина. - 2008. - Т.86, N 4. - С.22-26.

**НО**1. Сголохваст К. Экологические и нанотоксикологические аспекты взаимодействия минералов и белков / К.Сголохваст, И.Памирский // Вестник новых медицинских технологий. - 2010. - Т.XVII, N 2. - С.53-55.

**НО**1. Сидоркина О.Н. Биоинформационный анализ параметров организма больных облитерирующим атеросклерозом артерий нижних конечностей с синдромом критической ишемии: автореферат диссертации на соискание ученой степени кандидата медицинских наук: 03.01.09 / О.Н.Сидоркина. - Сургут, 2013. - 23 с.

**А2013-8050**1. Систематический анализ молекулярных механизмов воздействия ω-3-полиненасьпценных жирных кислот на аритмию / И.Ю.Торшин, О.А.Громова, Е.Ю.Егорова, К.В.Рудаков // Кардиология. - 2011. - Т.51, N 5. - С.37-49.

**НО**1. Соколова А.А. Сравнительный биоинформационный анализ параметров кардиореспираторной системы взрослого коренного и пришлого населения Югры: автореферат диссертации на соискание ученой степени кандидата биологических наук: 03.01.09 / А.А.Соколова. - Сургут, 2012. - 21 с.

**А2013-396**1. Сравнительная характеристика способности к адгезии холерных вибрионов не о1/не о139 серогрупп, выделенных от человека и свежевыделенных из объектов окружающей среды / М.В.Акулова, Н.Р.Телесманич, Ю.М.Ломов, А.В.Колякина, В.Д.Кругликов, В.В.Агафонова, И.В.Архангельская // Здоровье населения и среда обитания. - 2010. - N 6. - С.17-19.
2. Степанова Д.И. Биоинформационный анализ микрохаотической динамики параметров вегетативной регуляции организма жителей г. Сургута с хроническими заболеваниями: автореферат диссертации на соискание ученой степени кандидата биологических наук: 03.01.09 / Д.И.Степанова. - Сургут, 2012. - 23 с.

**А2012-15218**1. Степанян И.В. Научно-методические основы и биоинформационные технологии управления профессиональными рисками в медицине труда: автореферат диссертации на соискание ученой степени доктора биологических наук: 14.02.04 / И.В.Степанян; [НИИ медицины труда РАМН]; 12-16574а. - М., 2012. - 48 с.

**А2012-16574**1. [Суплатов Д.А. Сравнительный биоинформатический анализ структур активных центров эволюционно удаленных гомологов суперсемейства ферментов а,в-гидролаз](http://actanaturae.ru/attachment.aspx?id=905) / Д.А.Суплатов, В.К.Аржаник, В.К.Швядас // Acta Naturae (русскоязычная версия). - 2011. - Т.3, N 1. - С.99-105.
2. Торшин И.Ю. Дисплазия соединительной ткани, магний и нуклеотидные полиморфизмы / И.Ю.Торшин, О.А.Громова // Кардиология. - 2008. - Т.48, N 10. - С.57-65.

**НО**1. Торшин И.Ю. Механизмы антистрессового и антидепрессивного действия магния и пиридоксина = Mechanisms of antistress and antidepressive effects of magnesium and pyridoxine / И.Ю.Торшин, О.А.Громова, Е.И.Гусев // Журнал неврологии и психиатрии им. C.C.Корсакова. - 2009. - Т.109, N 11. - С.107-111.

**НО**1. Торшин И.Ю. Сравнительный анализ дидрогестерона и других прогестагенов: расчет энергий связывания со стероидными рецепторами / И.Ю.Торшин, О.А.Громова, К.В.Рудаков // Вопросы гинекологии, акушерства и перинатологии. - 2011. - Т.10, N 2. - С.68-78.

**Ч/з8**1. Тутельян В.А. Актуальные вопросы диагностики и коррекции нарушений пищевого статуса у больных с сердечно-сосудистой патологией / В.А.Тутельян, А.К.Батурин, А.В.Погожева // Consilium Medicum. - 2010. - Т.12, N 10. - С.104-109.
2. [Форма носовой полости и структура течения воздуха в носу человека. Результаты численного моделирования](http://conf.nsc.ru/Lyap-100/reportview/74211) / В.М.Фомин, В.Л.Ганимедов, М.И.Мучная, А.С.Садовский, В.Н.Шепеленко // Современные проблемы математики, информатики и биоинформатики [Электронный ресурс]: международ. конф., посвящ. 100-летию со дня рождения А.А.Ляпунова, 11-14 окт. 2011 г., Академгородок, Новосибирск. - Новосибирск, 2011.
3. [Хемоинформационный анализ молекулы оротовой кислоты указывает на противовоспалительные, нейропротекторные и кардиопротекторные свойства лиганда магния](http://www.pharmateca.ru/ru/archive/article/12025) / И.Ю.Торшин, О.А.Громова, Л.Э.Федотова, А.Г.Калачева и др. // Фарматека. - 2013. - N 13 (266). - С.95-104.

**Ч/з8**1. [Чернова И.В. Информационное значение параметров перекисного окисления липидов и антиокислительной активности крови для диагностики осложнений у больных острым гнойным пиелонефритом в периоперационном периоде](http://elibrary.ru/item.asp?id=21708081) / И.В.Чернова // Системный анализ и управление в биомедицинских системах. - 2014. - Т.13, N 1. - С.119-124.

**Ч/з8**1. Шарова Л.В. Биоинформационные подходы к оценке и восстановлению адаптационных резервов организма: автореф. дис. на соиск. учен. степ. д-ра биол. наук: 14.00.51 / Л.В.Шарова; [Рос. науч. центр восстановит. медицины и курортологии Росздрава]; 07-7239а. - М., 2007. - 47 с.

**А2007-7239**1. Шендеров Б.А. «Омик» - технологии и их значение в современной профилактической и восстановительной медицине / Б.А.Шендеров // Вестник восстановительной медицины. - 2012. - N 3. - С.70-78.

**Ч/з8**1. Шувалова О.И. Биоинформационный анализ параметров организма больных артериальной гипертензией в условиях ХМАО-Югры: автореферат диссертации на соискание ученой степени кандидата медицинских наук: 03.01.09: 14.01.04 / О.И.Шувалова. - Сургут, 2013. - 22 с.

**А2013-14379**1. Юров И.Ю. Биоинформатика в клинико-лабораторной диагностике хромосомных аномалий: анализ геномных и эпигенетических баз данных / И.Ю.Юров, С.Г.Ворсанова, Ю.Б.Юров // Клиническая лабораторная диагностика. - 2008. - N 9. - С.37-38.

**НО** |

|  |
| --- |
| **Разделы выставки:** |
| [**Биоинформационные технологии и исследования**](http://www.prometeus.nsc.ru/archives/exhibit2/bioinf.ssi#m1) |
| [**Информационная поддержка анализа геномов**](http://www.prometeus.nsc.ru/archives/exhibit2/bioinf.ssi#m2) |
| [**Биоинформационный подход в медицине**](http://www.prometeus.nsc.ru/archives/exhibit2/bioinf.ssi#m3) |